

Diversité pharmacogénétique des populations du Bénin

Partenariat Nord : UMR MERIT (A Sabbagh, A Garcia, J Milet, L Gineau, D Courtin, F Migot-Nabias, J Clain) ; CNRGH, Evry (A Boland, JF Deleuze) ; Laboratoire d'anthropologie, génétique et peuplements (AGP), Université de Genève, Suisse (ES Poloni)

Financement: Institut Universitaire de France

Calendrier : 2019-2022

Tous les individus ne répondent pas de la même façon à un même traitement médicamenteux, tant sur le plan pharmacologique (efficacité) que sur le plan toxicologique (effets indésirables). Des facteurs génétiques affectant la pharmacocinétique et la pharmacodynamie des médicaments jouent un rôle déterminant dans cette variabilité interindividuelle de réponse aux médicaments. Ces facteurs génétiques sont pour certains distribués de manière hétérogène entre les populations humaines. A l'heure actuelle, très peu de données existent sur la diversité pharmacogénétique des populations africaines, en particulier au Bénin.

Ce projet a pour objectif de décrire la distribution des polymorphismes fonctionnels des gènes VIP (*Very Important Pharmacogenes*) dans les populations du Bénin. Dans le cadre d'études de cohortes réalisées dans diverses régions du Bénin (au sud, au centre, au nord-est et au nord-ouest), nous disposons des données génétiques « génome entier » de populations appartenant à différents groupes socioculturels (Fon, Adja, Aizo, Tori, Mina, Toffin, Goun, Yoruba, Gando, Peuls, Bariba, Otamari). Cet échantillonnage sera complété par six autres populations dans le nord du Bénin (Natemba, Waama, Berba, Gourmantché, Yom et Lokpa). Le génotypage de ces six populations sera réalisé au CNRGH (Evry, France). Nous étudierons la distribution dans ces 18 populations des polymorphismes d'une cinquantaine de gènes présentant un intérêt majeur pour expliquer les différences de réponse aux médicaments entre les individus : les VIP recensés dans la base de données PharmGKB.